

科学新聞

2020年8月28日6面

分子科学研究所の岡崎圭
一特任准教授、飯野亮太教
授、静岡大学の中村彰彦准

推定手法開発 分子研など成果

分子モーターの1方向性運動

教授の研究チームは、分子観察による動きのデータから、ベイズ推定法に基づいて、分子モーターの運動モデルを推定する新規手法を開発。糖鎖を分解して1方向に運動するキチナーゼに適用することで、その運動メカニズムを明らかにすることに成功した。

分子モーターは、生体内でATP加水分解エネルギーなどの化学エネルギーを消費して、1方向性の運動をするタンパク質。その作

動原理を解明するため、分子モーターの運動を直接観測する実験方法である1分子観察が用いられてきた。ただ、化学エネルギーの消費がある化学状態の変化がどのようにして分子モーターの1方向性の運動を生み出しているのかについては、よくわかつていない。

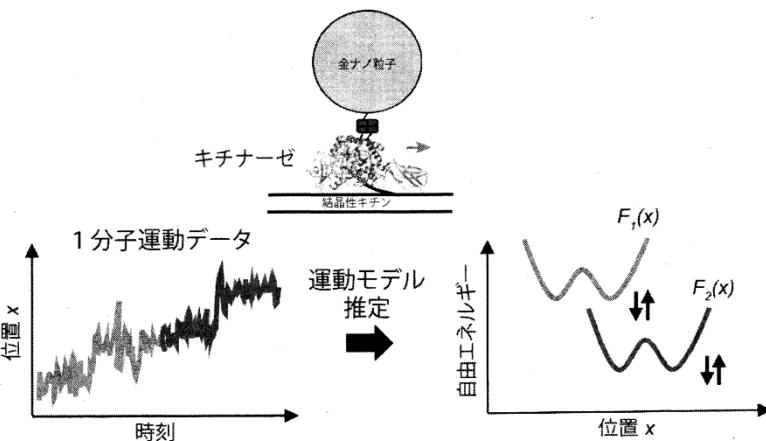
そこで研究チームは、1分子観察データから、分子モーターを支配する自由エネルギープロファイルの化学状態依存的な変化を引き出すことをを目指して研究を進めた。この化学状態の切り替えは、通常1分子観測

では観測されないため、化学状態を「隠れた」状態として、隠れマルコフモデル（観測されない隠れた状態）によりその状態を測るモデルにより取り扱った。

この隠れマルコフモデルに基づくと、モデルがどれだけ事前確率の積で表される事前確率としてモダリングすることができる。この尤度と事前確率の積で表さ

れる実際の1分子の運動の軌跡に適合しているかを評価する確率（尤度）を計算することができる、また、自由エネルギー・プロファイル、拡散係数、状態間遷移速度について、予想されることを事前確率としてモダリングすることができる。この尤度と事前確率の積で表さ

岡崎特任准教授の話「今回開発した運動モデルを様々な分子モーターに適用することによって、1方向性運動メカニズムの共通点や違いを明らかにしていく予定です。そこで得られた知見により、分子モーターの一般的原理の解明を目指しています。研究をさらに発展させることで、一般的原理に基づいて、新規分子モーターをデザインできる可能性が期待されます」



キチナーゼ1分子実験における1方向性運動

■モンテカルロ・サンプリング乱数を用いて変数をランダムに変化させて、目的の確率分布に従つたサンプリングを行う手法。

モーターであるキチナーゼに作用した結果、その背後に応用した。キチナーゼが糖鎖を分解しながら1方向に運動する軌跡のデータに応じた。それによると、キチナーゼは、まず比較的低い自由エネルギー・プロファイルを推定でき、ブラウン運動することで糖鎖を触媒サイトに引き込む。そして、糖鎖の加水分解反応と生成物解離により化学状態が切り替わることで、1方向性運動を実現していることが分かった。